

Pour chaque projet est indiqué son titre, le ou les laboratoires participants ainsi que le coordinateur.

DILEMMA

Diversity of disease resistance mechanisms in arabidopsis

CNRS UMR 2594

Dominique ROBY

Biodiversité et génomique fonctionnelle des petits ARNs endogènes induits par des stress biotiques et abiotiques chez les plantes

CNRS UPR 2357

Olivier VOINNET

Genomic and metabolomic exploration of natural variability of fruit development and quality in tomato

INRA UMR 990

Mondher BOUZAYEN

INRA UR 1052

COREGRAPEGEN

Exploitation of natural diversity in grape functional genomics

INRA UMR 1165

Anne-Françoise ADAM-BLONDON

INRA UR 1164

INRA UMR 1097

Exploitation de la conservation entre espèces des séquences promotrices pour l'identification des facteurs de transcription régulateurs de la reproduction et des performances physiologiques

INRA UMR 1165

Vincent COLOT

DIGENFOR

Variabilité nucléotidique de gènes candidats impliqués dans l'adaptation des arbres forestiers à leur milieu

INRA UMR 1202

Christophe PLOMION

ARABIDO-SEED

Etablir le réseau de régulation de l'expression des gènes de la graine et analyse de sa biodiversité

INRA UMR 1165

Michel CABOCHE

INRA UR 254

Génomique fonctionnelle de la résistance acquise locale et systémique chez arabidopsis

CNRS UMR 8618

Patrick SAINDRENAN

CNRS UPR 2357

GENOSOME

Génomique comparée des méristèmes de solanacées

INRA UR 501

Jaan TRAAS

Caractérisation and multiplication des lignées d'insertion TDNA

IRD UMR 5096

Alain GHESQUIERE

CIRAD UMR 1096

Entreprise

Développement d'un environnement bioinformatique pour la génomique végétale

Coordinateur privé

Entreprise

Mise au point des outils d'exploitation des banques BAC et utilisation dans l'analyse des génomes des plantes cultivées. Nouveaux formats de puces

Coordinateur privé

Projet ciblé biologique

Coordinateur privé

PHYTOSOL

Clonage positionnel d'un QTL à spectre large agissant sur la résistance aux Phytophthora chez les Solanacées

INRA GAFL UR 1052

Véronique LEFEBVRE

INRA URGV UMR 1165

TRANSVIR

Factors from the translation initiation complex as key targets for plant resistance against viruses

Inra UGAFL UR 1052

Carole CARANTA

Inra UMR GDPP 1090

CNRS CEA U Méditerranée

INRA URGV UMR 1165

IRD UMR 5096

Improving homologous recombination and gene targeting, a three species confrontation

CNRS IBP UMR 8618

Marie-Pascale DOUTRIAUX

CIRAD UMR 1096

INRA GAP UR 254

Repair mechanisms of oxidized proteins in chloroplast of Arabidopsis thaliana

CEA Cadarache LEP
CNRS IBP UMR 8618
Inra UMR 1136

Pascal REY

Validation fonctionnelle du rôle de la glutamine synthetase au cours du remplissage du grain chez le maïs par une approche intégrée de physiologie moléculaire, de protéomique et de transcriptome.

Inra UR 511

Bertrand HIREL

Arabidopsis Functions Involved in Disease Susceptibility

Inra UMR 1064 laboratoire Interaction plante nématode
Inra UMR 1064 laboratoire Interaction plante oomycète
CNRS UMR 2594

Bruno FAVERY

The role of abscisic acid and reversible protein phosphorylation in drought adaptive responses

Inra Inapg UMR 204
CNRS UPR 2355
Université Pierre et Marie Curie UMR CNRS 7632

Annie MARION-POLL

Characterisation and control of meiotic recombination in plants

INRA GAP UR 254
CNRS UMR 8618

Mathilde GRELON

Structural and functional study of oil and protein storage bodies in A thaliana and in B napus : towards environmentally friendly oil and protein extraction process ?

Inra UMR 206
Inra UMR 118
Inra BS UMR 204
Inra UR 724
CNRS 6037 GTV

Thierry CHARDOT

Vers une amélioration de la qualité du raisin et de la vendange: identification et caractérisation de transporteurs impliqués dans la charge en K⁺ de la baie de raisin

Inra UMR 5004
Inra Ensam UMR 1083

Hervé SENTENAC

Dissection of redox interactions and their role in stress responses using insertion mutants and metabolomics

CNRS UMR 8618 équipe Signalisation métabolique et métabolome Graham NOCTOR
CNRS UMR 8618 équipe mitochondries et métabolisme
CNRS UMR 8618 équipe résistance induite et métabolisme secondaire
CNRS UMR 8618 équipe signalisation redox
INRA GAP UR 254
CNRS Perpignan UMR 5096

Characterization of mutants and seed Amplification in the Génoplante Rice Insertion Line Library

CIRAD UMR 1096 Mathias LORIEUX
Inra UMR 385
IRD UMR 5096

GENOQB

Genomics of wood formation and molecular tools for breeding wood quality in maritime pine

INRA UMR 1202 Christophe PLOMION
INRA Orléans UR 588
Entreprise

MAIZEWALL

From variation in cell wall biogenesis and lignification of maize to variation of forage maize for ingestibility and digestibility in cattle

Coordinateur privé
Inra INAPG UMR 206
INRA UGAPFUR 889 Lusignan
INRA UR 725 URPOI Nantes
CNRS INRA UMR UPS 5546
INRA UR 501 LBC Versailles

RICETILL

Generation and validation of an Indica Rice Tilling Platform

Coordinateur privé
INRA UMR 385 Montpellier

AGRI-ARRAY

New developments towards a genetic and diagnosis use of plant microarrays

Coordinateur privé
INRA URGV 1165
INRA UMR 518
Entreprise

Génomique des composantes du rendement chez le maïs

Coordinateur privé
INRA ENS Lyon UMR 879
Inra CNRS UMR 320
CNRS Orsay UMR 8618
Inra Mons UR 283
Entreprise

ARCOLE

Efficacité de la nutrition azotée du colza au printemps : identification de cibles de sélection

Coordinateur privé
Inra UCBN UMR 950
Inra UMR 113
Inra UR 511 NAP
Inra Cnrs ENSAM UMR 5004
Inra UMR 118 Rennes
Entreprise

WHEAT GROWTH

Facteurs de développement impliqués dans l'élaboration du rendement en grains chez le blé

Coordinateur privé
Inra UBP Clermont UMR 1095
Inra Cnrs UMR 320
Entreprise

WATERLESS

Towards drought tolerance of maize yield: Genetics and genomics of growth maintenance.

Coordinateur privé
Inra UMR 759
INRA CNRS UMR 320
Inra UMR 1097
Inra UMR 204
CNRS INRA UMR 5004
Entreprise

GRAPSEQ

Séquençage du génome de la vigne

INRA URGV

A.-F. ADAM-BLONDON

BI INT ENV PG

Development of an integrated bioinformatic environment for plant genomics

Coordinateur privé

Inra URGI UMR 1164

INRA URGV UMR 1165

Inra Crouelle UMR 1095

Inra GAP Versailles UR 254

Inra UR 875 Toulouse

Inra CNRS UMR 320

Cirad UMR 1096

Entreprise

CNRS UMR 5004

COLIBRI

Identification et validation de gènes candidats impliqués dans l'élaboration du rendement en huile de lignées et d'hybrides de colza d'hiver Brassica napus.

Coordinateur privé

Inra CNRS UMR 320

INRA ENSAR UMR 118

ORSCROP

Carbon balance in seed filling of Oilseed rape (Brassica napus) - Controlling Reserve accumulation in Oil and Protein

Coordinateur privé

CNRS UMR 5096

Inra UMR 118 Rennes