

Pour chaque projet est indiqué son titre, le ou les laboratoires participants ainsi que le coordinateur.

**GENOVUL**

Exploitation de la variabilité génétique intra et inter-espèces pour l'étude du déterminisme génétique du taux d'ovulation

INRA UR 444

Philippe MULSANT

INRA UMR 6175

INRA UR 631

shRNA : Mise au point de vecteurs permettant une expression fiable de gènes codant pour des ARN interférents et des microARN

INRA UR 339

Fabienne LE PROVOST

INRA UMR 1198

INRA UR 892

**GFAT**

Génomique fonctionnelle de l'adiposité chez la truite d'élevage

UMR 1067 INRA-IFREMER-Université Bordeaux I Equipe :

Patrick BABIN

Génomique et physiologie des poissons

UMR 1067 INRA-IFREMER-Université Bordeaux I Equipe : Nutrition -

Métabolisme - Aquaculture

**CHRONOBOS**

Domestication et diversité génomique (SNPs) actuelle et ancienne : Application au bœuf et aux petits ruminants

CNRS UMR 5161 INRA

Sandrine HUGHES

CNRS UMR 5553 Université Joseph Fourier

Archéozoologie, Histoire des Sociétés Humaines et des Peuplements

Animaux Muséum national d'Histoire naturelle

CNRS UMR 7592

**MUGENE**

Approche intégrée combinant la génétique, la génomique et la biologie musculaire pour gérer la qualité de la viande bovine selon le potentiel de croissance des animaux et les facteurs d'élevage.

INRA UR1213

Jean-François HOCQUETTE

INRA UR337 (SGQA),

INRA UMR 1061 Université de Limoges (UGMA)

INRA UR370 QuaPa (ex SRV)

Cartographie génétique de séquences exprimées chez la truite arc-en-ciel (*Oncorhynchus mykiss*)

INRA UR544

René GUYOMARD

**Cartographie fine de régions QTL des ruminants**

INRA UR 339

Didier BOICHARD

Une évaluation minutieuse de plusieurs QTL en ségrégation dans les lignées commerciales françaises en vue de leur cartographie fine commerciale françaises en vue de leur cartographie fine et de la mise en place d'une sélection assistée par marqueur

INRA UR 444

Denis MILAN

INRA UR337 SGQA

Entreprise

**RESISAL**

Identification par génomique expressionnelle de facteurs de résistance au portage des salmonelles utilisables en sélection

INRA UR 918

Bernard COUDURIER

INRA UR83

INRA UE 609

Combiner l'analyse de liaison et le déséquilibre de liaison pour cartographier finement les QTL pedigrees animaux

INRA UR875 BIA

Brigitte MANGIN

**FERTILITE 1**

Déterminisme génétique et étude métabolique des problèmes de fertilité des vaches laitières hautes productrices

INRA UMR-CNRS Haras Nationaux

Joelle DUPONT

Entreprise

Identification du gène et des mécanismes responsables de l'hypertrophie musculaire dans la race ovine " Texel Belge "

INRA UR 370 Quapa ex SRV

Elisabeth LAVILLE

INRA UR 631 SAGA

INRA UMR 1061 INRA/Université Limoges (UGMA)

**GENOMA II**

Analyse protéomique de la réponse de la glande mammaire à une infection bactérienne

INRA UMR 1225 INRA-ENVT (IHMA)

Gilles FOUCRAS

INRAUR 1196 GPL

INRA UMR85 INRA-CNRS-Haras nationaux-Univ Tours (PRC)

INRA UR 918 (PII)

INRA UR 631 SAGA

Entreprise

**Geno Milk Fat**

Biologie intégrative de la fonction mammaire et adaptabilité de la matière grasse laitière. Impact des facteurs génétiques et alimentaires sur les caractéristiques de la matière grasse laitière et sur les propriétés techno-fonctionnelles des constituants du lait

INRA UR1196 GPL

Patrice MARTIN

INRAUR1213URH

INRA UMR 1253 INRA/Agro -Campus Rennes (STLO)

INRA UMR 1080 AgroCampus Rennes

INRA UR337 SGQA

INRA UR 631 INRA SAGA

Entreprise

**GENIFER**

Mesures phénotypiques et étude du polymorphisme de gènes candidats du QTL de fertilité femelle du chromosome 3 en race Prim'Holstein

Coordinateur privé

Entreprise

**Qualvivol**

Approche de génomique fonctionnelle et positionnelle pour l'identification des gènes responsables des variations de qualité technologique des viandes chez le poulet

Coordinateur privé

INRA UR83

INRA UR 444 INRA

**QUALVIGENA**

Détection et validation de gènes impliqués dans la qualité des viandes bovines des trois principales races à viande en France

INRA UMR1061 Université de Limoges (UGMA)

Alain MALAFOSSE

INRA UR 370

INRA UMR 1019 INRA/Université Clermont 1 (UMPE)

Entreprises

**MAMMIFERT**

Utilisation des souris recombinantes congéniques pour le clonage positionnel rapide de QTL chez les mammifères : application aux QTL de fertilité chez la souris, le bœuf domestique et l'Homme

INSERM HOPITAL COCHIN Génomique et Epigénétique de la  
Pathologie Placentaire

Daniel VAIMANT

Faculté de médecine, site de Cochin , Laboratoire de Biologie de la  
Reproduction

INRA UR339 LGBC

INSTITUT PASTEUR/ Unité postulante de Génétique fonctionnelle de  
la Souris

INRA UMR 6175 -CNRS-Haras Nationaux-Université de Tours

Entreprise